

[GeneStream align Home Page](#)[align Search Help](#)

align Results

Please site: *Pearson, W.R., Wood, T., Zhang, Z., and Miller, W. (1997)*
Comparison of DNA sequences with protein sequences, Genomics 46: 24-36

```
>_ SEQ ID NO:89                                166 aa vs.
>_ SEQ ID NO:12                                286 aa
scoring matrix: , gap penalties: -12/-2
16.0% identity;      Global alignment score: -188

      10                               20
261315 MTQSQTVTVDQQ-----EILNRAN-----EVEAPMA---DP-----
      .. ..... : ..... : .. : .. :
-      -GDSFWAAADQMARGFVLGATAGRTTTLTGEGLQHADGHSLLLDATNPVVAYDPAFAYEI
      10          20          30          40          50

      30          40          50          60
261315 -----PTDV-----P-ITPCELTXXKNAQQXVLSADNMREYLAAG
      : .. : : : : : : : : : : : : : : :
-      GYIXESGLARMCGENPENIFFYITVYNEPYVQPPE---PENFDPEGVLGG--IYRYHAAT
      60          70          80          90          100          110

      70          80          90          100
261315 AK---ERQLAT-----SLRNAAKXYGEVDEEAAT-----ALDNDGEGTVQAES---
      . : : : . : : : . : : : . : : : . : : :
-      EQRTNKXQILASGVAMPAALRAAQMLAAEWDVAADVWSVTSWGELNRDGV-VIETEKLRH
      120          130          140          150          160          170

      110          120          130
261315 ---AGAVGGDSSAELTDTPRVATAG-----EP-----NFMDLKEAA
      : : : : : : : : : : : : : : : :
-      PDRPAGVPYVTRALENARGPVIAVSDWMRAVPEQIRPWVPGTYLTLGTDGFGFSDTRPAG
      180          190          200          210          220          230

      140          150          160
261315 RKLETGDQGASLAHX-GDGWNTXTLTL-----QGD-----
      : . : : : : : : : : : : : : :
-      RRYFNDAESQVGRGFGRGWPGRRVNIDPFGAGRGPPAQLPGFDEGGGLRPXK
      240          250          260          270          280
```

Elapsed time: 0:00:00

EXHIBIT A